

Longitarsus luridus

Ένας νέος εχθρός στην καλλιέργεια βαμβακιού ήρθε στην χώρα μας

Κωνσταντίνος Β. Σίμογλου

Δ.Α.Ο.Κ. Π.Ε. Δράμας, Τμήμα Ποιοτικού και Φυτοϋγειονομικού Ελέγχου, Δράμα

Ροβέρτος Χατζηγεωργιάδης

Bayer Ελλάς ABEE, Τομέας Επιστήμης Γεωργίας, Field Marketing Mngt North-Central

Δημήτριος Αβτζής

ΕΛ.Γ.Ο. ΔΗΜΗΤΡΑ, Ινστιτούτο Δασικών Ερευνών, Βασιλικά, Θεσσαλονίκη

Εμμανουήλ Ροδιτάκης

ΕΛ.Γ.Ο. ΔΗΜΗΤΡΑ, Ινστιτούτο Ελιάς, Υποτροπικών Φυτών & Αμπέλου, Τμήμα Αμπέλου, Λαχανοκομίας και Φυτοπροστασίας, Ηράκλειο

ΒΙΒΛΙΟΓΡΑΦΙΑ

1. Aranzana M. J., Decroocq V., Dirlwanger E., Eduardo I., Gao Z. S., Gasic K., Tao R. 2019. Prunus genetics and applications after de novo genome sequencing: achievements and prospects. Horticulture research, 6.
2. Bassi D., Aranzana M. J., Cirilli M., Cos Terrer J., Drogoudi P., Eduardo I., Foschi S., Micali S., Rossini L., Verde I. 2019. Una rete mediterranea per conservare la biodiversità. Rivista di Frutticoltura, 6: 32-36.
3. Cirilli M., Flati T., Gioiosa S., Tagliaferri I., Ciacciulli A., Gao Z., Gattolin S., Geuna F., Maggi F., Bottoni P., Rossini R., Bassi D., Castrignanç T., Chillemi G. 2018. PeachVar-DB: a curated collection of genetic variations for the interactive analysis of peach genome data. Plant and Cell Physiology, 59: 1 e 2.
4. Decroocq S., Comille A., Tricon D., Babayeva S., Chague A., Eyquard J.P., Karychev R., Dolgikh S., Kostriysyna T., Liu S., Liu W., Geng W., Liao K., Asma B.M., Akparov Z., Giraud T., Decroocq V. 2016. New insights into the history of domesticated and wild apricots and its contribution to Plum pox virus resistance. Mol Ecol., 25: 4712-29.
5. Dondini L., Vendramin E., Pea G., Pacheco I., Dettori M.T., Gazza L., Scalabrin S., Strozzi F., Tartarini S., Bassi D., Ignazio V., Rossini L. 2014. L'origine delle nettarine nella mutazione di un singolo gene MYB. Rivista di Frutticoltura, 7/8: 48-51.
6. Κουκουργιάννης Β. 2008. Η συστηματική δενδροκομία στην Κ.Δ. Μακεδονία συμπλήρωσε τα 80 χρόνια της (1927-2007). Γεωργία-Κτηνοτροφία τ. 1/2008: 34-40.
7. Laurens F., Aranzana M-J., Arus P., Bassi D., Bink M., Bonany J., Caprera A., Corelli-Grappadelli L., Costes E., Durel C-E., Mauroux J.B., Muranty H., Nazzicari N., Pascal T., Patocchi A., Peil A., Quilot Turion B., Rossini L., Stella A., Troggio M., Velasco R., van de Weg E. 2018. An integrated approach for increasing breeding efficiency in apple and peach in Europe. Hort Res 5: 11.
8. Micheletti D., Dettori M.T., Micali S., Aramini V., Pacheco I., Da Silva Linge C., Foschi S., Banchi E., Barreneche T., Quilot-Turion B., Lambert P., Pascal T., Iglesias I., Carbo J., Wang L., Ma R., Li X., Gao Z., Nazzicari N., Troggio M., Bassi D., Rossini L., Verde I., Laurens F., Arus P., Aranzana M.J. 2015. Whole-genome analysis of diversity and SNP-major gene association in Peach Germplasm. PLOS ONE, 10(9): e0136803.
9. Okie W.R., Bacon T., Bassi D. 2008. Fresh Market Cultivar Development. In: (curatori) D. R. Layne e D. Bassi: The Peach. Botany, Production and Uses. CAB International, Wallingford (UK): 139-174.
10. Οικονομίδης Α. 1950. Τα σπυροφόρα δένδρα της Ελλάδος. Κεντρικό Ταμείο Γεωργίας Κτηνοτροφίας και Δασών. Β' Έκδοσ. Αθήνα. σελ. 245.
11. Peace C.P. 2017. DNA-informed breeding of rosaceous crops: promises, progress and prospects. Horticulture research, 4: 17006.
12. Su T., Wilf P., Huang Y., Zhang S., Zhou Z. 2015. Peaches preceded humans: fossil evidence from SW China. Sci. Rep., 5: 16794.
13. Velasco D., Hough J., Aradhya M., Ross-Ibarra J. 2016. Evolutionary genomics of peach and almond domestication. G3-Genes Genomes Genet 6: 3985-3993.
14. Verde I., Abbott A.G., Scalabrin S., Jung S., Shu S., Marroni F., Zhebentyayeva T., Dettori M.T., Grimwood J., Cattonaro F., Zuccolo A., Rossini L., Jenkins J., Vendramin E., Meisel L.A., Decroocq V., Sosinski B., Prochnik S., Mitros T., Policriti A., Cipriani G., Dondini L., Ficklin S., Goodstein D.M., Xuan P., Del Fabbro C., Aramini V., Copetti D., Gonzalez S., Horner D.S., Falchi R., Lucas S., Mica E., Maldonado J., Lazzari B., Bielenberg D., Pirona R., Miculan M., Barakat A., Testolin R., Stella A., Tartarini S., Tonutti P., Arus P., Orellana A., Wells C., Main D., Vizzotto G., Silva H., Salamini F., Schmutz J., Morgante M., Rokhsar D.S. 2013. The high-quality draft genome of peach (*Prunus persica*) identifies unique patterns of genetic diversity, domestication and genome evolution. Nature Genetics 45.5: 487.
15. Yu Y., Fu J., Xu Y., Zhang J., Ren F., Zhao H., Jiang D. 2018. Genome re-sequencing reveals the evolutionary history of peach fruit edibility. Nature Communications, 9 (1): 5404-5404.